

## FONCTIONNEMENT DE L'AC250 BRUKER

(Les commandes sont indiquées en caractères gras, les touches de la console sont entre < >.)

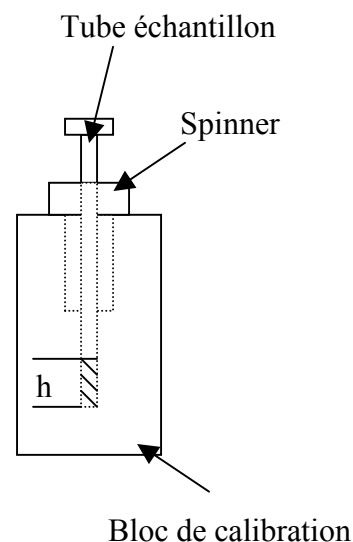
Laissez la touche <FINE> allumée ('ON')

### PREPARATION DE L'ECHANTILLON.

<sup>1</sup>H: 3 à 10 mg  
<sup>13</sup>C: 20 à 50 mg  
Solvant deutérié: 0,5 ml  
Hauteur du liquide: 4 à 5 cm (h)  
Diamètre du tube échantillon: 5 mm

### POSITIONNEMENT DE L'ECHANTILLON.

Placez le tube dans le bloc de rotation (*spinner*) et positionnez le tout dans le bloc de calibration.



### CHANGEMENT D'ECHANTILLON.

<2<sup>nd</sup>><LIFT> pour éjecter le tube qui est dans la sonde  
<LIFT OFF> pour insérer le tube à analyser  
Observez la lampe verte sur <SPIN>: elle reste allumée lorsque la vitesse de rotation du spinner est stable.  
L'afficheur digital indique alors environ 20 trs/sec.  
<SPIN> pour mettre on/off la rotation du tube, si celui-ci ne tourne pas.

### COMMENCER L'EXPERIENCE.

Rappel des shims : **RSH** *nom du solvant* ←

#### ***Nom du solvant***

ACETONE.001  
CDCL3.001  
CD2CL2.001  
CD3OD.001  
C6D6.001  
DMSO.001  
D2O.001

### POUR OBTENIR LE LOCK.

<FIELD> : Avec la molette, placez le signal en dispersion au centre de la fenêtre.  
Aidez-vous de la valeur du field en fonction du solvant sur la liste jointe.  
<AUTO LOCK> : Le signal se déplace vers le haut de l'écran.  
Attendre la stabilisation.  
Le bouton <AUTO LOCK> reste allumé.  
<CTRL> <L> : Permet d'afficher à l'écran soit le signal de lock, soit le spectre, soit les deux.

↓

### RENDRE LE CHAMP MAGNETIQUE HOMOGENE (SHIM)

<Z> : A l'aide de la molette, essayez de déplacer le signal de LOCK vers le haut de l'écran.

Si le signal sort de l'écran , <LOCK GAIN> pour diminuer le gain avec la molette.

Procédez de même pour <Z<sup>2</sup>>, <Z<sup>3</sup>> et <Z<sup>4</sup>> afin d'obtenir les meilleurs shims.

Désactivez la molette par <STD BY>.

<AUTOSHIM> <Z> <Z<sup>2</sup>> pour un réglage automatique des shims pendant l'accumulation (les boutons clignotent)

↓

### RAPPEL DES PARAMETRES

Pour un spectre Proton : **AU nom de fichier.AU** ↵

Carbone : **AU nom de fichier.AU** ↵

APT : **AU nom de fichier.AU** ↵

(voir la liste jointe pour connaître les noms de fichier en fonction du solvant)

Les temps d'acquisition sont environ de 3 mn pour le proton et 50 min pour <sup>13</sup>C et APT.

↓

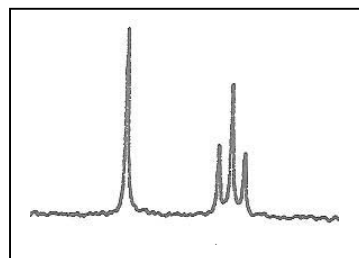
### ACQUISITION DES DONNEES

Pour un spectre Proton : **AU H1.AU** ↵

Carbone : **AU C13.AU** ↵

APT : **AU APT.AU** ↵

Indiquez le nom du fichier sous lequel va être sauvé votre spectre en respectant les conventions indiquées sur la feuille jointe.



↓

### FIN DE L'EXPERIENCE.

Désactivez l'autoshim en cliquant 2 fois sur <AUTO SHIM>

'Délockez' en cliquant sur <AUTO LOCK>

Remplacez votre échantillon par le «tube de repos».

Allez sur le PC pour le transfert et le traitement.

### Transfert des données Spectromètre ⇒ PC

- Sur le bureau, cliquez sur le logo **GETFILE**.
- Dans les menus déroulant, cliquez sur **NMRLINK** puis sur **GET**, une fenêtre s'ouvre.
- Dans la case **DEVICE**, mettre =**D2**
- Dans la case **MASK**, mettre le nom du spectre à transférer (en lettres minuscules) suivi de l'extension .001
- Cliquez sur **GET REMOTE DIRECTORY**.
- Le nom du spectre s'affiche alors en bas à gauche dans la case **REMOTE DIRECTORY**.
- Le sélectionner ('double clic' dessus), et cliquez sur **TRANSFERT**.
- Votre spectre est transféré dans le dossier C:/Spectres/test1/
- Sortir en cliquant sur **EXIT**, puis **EXIT TO WINDOWS** du menu déroulant files.