




3.00 crédits

20.0 h + 7.5 h

Q2

| | |
|---|--|
| Enseignants | Baret Philippe ;Bertin Pierre ;Draye Xavier ; |
| Langue d'enseignement | Français > English-friendly |
| Lieu du cours | Louvain-la-Neuve |
| Préalables | Cours de biologie et physiologie du programme de bachelier BIR Cours de biométrie (LBIRA2110A) et connaissance des modèles mixtes (LBRAI2222) Connaissance de base du langage R |
| Thèmes abordés | Dans un premier temps, le cours aborde les concepts de base de la génétique des populations et de la génétique quantitative. Il introduit par la pratique les méthodes statistiques utilisées, en lien avec les cours de biométrie (LBIRA2110A) et de compléments de biométrie (LBRAI2222). Il se poursuit par une présentation des principaux outils de biotechnologie, avec un accent sur les biotechnologies végétales qui prennent une place croissante dans l'amélioration génétique. Une fois ces bases conceptuelles et techniques posées, le cours reconstruit les principaux schémas de sélection et de croisements utilisés dans le domaine de l'amélioration végétale. Il aborde d'une manière critique l'évolution de la problématique de l'amélioration dans les contextes technologique, socio-économique, environnemental et éthique. Il se termine en présentant les techniques avancées d'analyse génétique (GWAS) et leurs conséquences attendues dans le cadre de la sélection génomique. |
| Acquis d'apprentissage | |
| Modes d'évaluation des acquis des étudiants | Le mode d'évaluation sera communiqué au début du quadrimestre. La partie amélioration végétale consiste en un examen écrit à livre ouvert. |
| Méthodes d'enseignement | Cours en auditoire, exercices sur ordinateur, excursions |
| Contenu | <p>Génétique des populations</p> <ul style="list-style-type: none"> • Fréquences géniques et génotypiques, loi d'Hardy Weinberg • Facteurs de variation (sélection, migration, mutation, dérive) • Diagnostics (structure de population, consanguinité) <p>Génétique quantitative</p> <ul style="list-style-type: none"> • Valeurs • Décomposition de la variance génotypique et héritabilités • Sélection et hétérosis • GWAS et sélection génomique <p>Biotechnologies et manipulation du génome végétal</p> <ul style="list-style-type: none"> • Clonage, haplo-diploïdisation, croisements interspécifiques, fusion de protoplastes et transgénèse <p>Amélioration végétale</p> <ul style="list-style-type: none"> • Modes de reproduction, contraintes et opportunités des végétaux • Description et analyse critique des différentes stratégies d'amélioration (croisements et schémas de sélection phénotypique appliqués aux plantes autogames, allogames et à propagation végétative, exploitation de l'hétérosis) • Critique et évaluation des apports potentiels de chaque stratégie d'amélioration en fonction des objectifs de sélection et du déterminisme du caractère étudié • Conséquences en termes de conservation et exploitation de la diversité génétique, amélioration des caractères qualitatifs et quantitatifs, diversification des productions. Intégration des différentes stratégies dans l'amélioration actuelle. • Amélioration végétale, changements climatiques et agriculture durable |

| | |
|------------------------------|---|
| Ressources en ligne | Les ressources sont déposées sur Moodle |
| Faculté ou entité en charge: | AGRO |

| Programmes / formations proposant cette unité d'enseignement (UE) | | | | |
|--|---------|---------|-----------|---|
| Intitulé du programme | Sigle | Crédits | Prérequis | Acquis d'apprentissage |
| Master [120] en statistique, orientation biostatistiques | BSTA2M | 3 | |  |
| Approfondissement en sciences biologiques | APPBIOL | 3 | |  |
| Master [120] : bioingénieur en sciences agronomiques | BIRA2M | 3 | |  |