

3.0 crédits	30.0 h	1q
-------------	--------	----

Enseignants:	Baret Philippe ;
Langue d'enseignement:	Français
Lieu du cours	Louvain-la-Neuve
Ressources en ligne:	Icampus
Préalables :	Génétique quantitative et des populations
Thèmes abordés :	<p>Etablir les principes à la base des méthodes d'amélioration. Etudier les caractères quantitatifs et qualitatifs susceptibles d'être améliorés et préciser les conditions d'efficacité des processus améliorateurs : choix des reproducteurs, valeur d'élevage, méthodes d'indexation, programmes d'amélioration Intégrer les méthodes basées sur des technologies nouvelles : technologies de la reproduction et marqueurs moléculaires. Considérer l'application des méthodes de l'évaluation génétique à la conservation des ressources génétiques animales.</p>
Acquis d'apprentissage	<p>a. Contribution de l'activité au référentiel AA du programme M1.1., M2.1.,M4.4.</p> <p>b. Formulation spécifique pour cette activité des AA du programme A la fin de cette activité, l'étudiant est capable de :</p> <ul style="list-style-type: none"> - comprendre les bases conceptuelles et les méthodes de l'amélioration génétique animale - comprendre les bases conceptuelles et les méthodes de la gestion de la diversité génétique animale des espèces domestiques - discuter d'une manière critique un programme d'amélioration animale <p><i>La contribution de cette UE au développement et à la maîtrise des compétences et acquis du (des) programme(s) est accessible à la fin de cette fiche, dans la partie « Programmes/formations proposant cette unité d'enseignement (UE) ».</i></p>
Modes d'évaluation des acquis des étudiants :	L'évaluation est réalisée sur base d'un examen écrit avec une question défendue oralement.
Méthodes d'enseignement :	Le cours se donne sous forme d'exposés magistraux alternant théorie et exemples concrets
Contenu :	<p>Rappel de génétique mendélienne, des populations et quantitative. La sélection : principe et modèles Les programmes d'amélioration génétique L'évaluation génétique : principe, BLUP ; index de sélection multi-caractères Intégration de l'information moléculaire dans une perspective d'amélioration génétique assistée par marqueurs. Les méthodes basées sur les croisements : hétérosis, complémentarité, schémas rotationnels Gestion de la consanguinité et maintien de la diversité génétique Programmes de conservation des ressources génétiques animales</p>
Cycle et année d'étude :	> Master [120] bioingénieur : sciences agronomiques
Faculté ou entité en charge:	AGRO