

4.0 crédits	45.0 h	1q
-------------	--------	----

Enseignants:	Baret Philippe (coordinateur) ; Draye Xavier ;
Langue d'enseignement:	Français
Lieu du cours	Louvain-la-Neuve
Thèmes abordés :	<p>Partie A : Populations (2 ECTS) Constitution génétique d'une population (population mendélienne, fréquences génotypiques et géniques). Fréquences génotypiques et géniques dans des populations en équilibre (Loi d'Hardy-Weinberg). Facteurs systématiques (mutation, sélection, migration) et dispersifs (fixation ou perte d'allèles, consanguinité) de variation des populations. Caractérisation du polymorphisme génétique et mesure de la diversité au sein et entre les populations.</p> <p>Partie B : Quantitative (1 ECTS) Extension de la génétique mendélienne à la génétique de caractères quantitatifs. Etude de la variance phénotypique avec détermination statistique de la part due à l'environnement et au génotype dans des différences phénotypiques. Héritabilité des caractères quantitatifs et stratégies de croisement pour leur transfert et leur accumulation. Identification des QTL (quantitative traits loci)</p> <p>Partie C (1 ECTS) : Structure des génomes et génomique comparative Présentation / rappels sur la structure de l'information génétique (séquences répétées, familles multigéniques, structure des génomes). Cartographie génétique étendue à plus de 3 gènes et introduction à la cartographie physique. Génomique et évolution: génomique structurale et génomique comparative. Aperçu des outils d'analyse du génome (bibliothèques, clonage positionnel, cytogénétique moléculaire, génomique fonctionnelle).</p>
Acquis d'apprentissage	<p>Objectif</p> <p>Comprendre comment se structurent et évoluent les populations d'un point de vue génétique. Comprendre les notions de diversité génétique, de sélection et de consanguinité. Anticiper l'évolution des populations naturelles et des populations gérées par l'homme. Comprendre les bases conceptuelles de l'amélioration animale et végétale : valeurs génétiques, héritabilité, interaction génotype-environnement, hétéroosis. Intégrer les développements de la biologie moléculaire dans l'étude des populations et des caractères quantitatifs (notamment QTL). Percevoir la dynamique et l'organisation de l'information génétique au niveau du génome.</p> <p><i>La contribution de cette UE au développement et à la maîtrise des compétences et acquis du (des) programme(s) est accessible à la fin de cette fiche, dans la partie « Programmes/formations proposant cette unité d'enseignement (UE) ».</i></p>
Contenu :	Le cours se donnera sous forme d'exposés magistraux: théorie et exemples concrets et de séances d'exercices
Cycle et année d'étude: :	<p>> Master [120] bioingénieur : sciences agronomiques</p> <p>> Master [120] en statistiques, orientation biostatistique</p>
Faculté ou entité en charge:	AGRO